

Bonjour,

Le 1^{er} juin 2022

La présente vise à vous informer que la section Élaboration d'épreuves et diagnostic – microbiologie médico-légale du Laboratoire national de microbiologie (LNM) cessera d'offrir l'analyse multilocus du polymorphisme des séquences répétées en tandem (MLVA) au profit du séquençage du génome entier (SGE) aux fins de différenciation des agents pathogènes et de spéciation. Le changement entrera en vigueur le 1^{er} juillet 2022.

Une analyse comparative a été menée afin d'évaluer la transition de l'analyse MLVA au SGE pour plusieurs agents pathogènes du groupe de risque 3, dont *Brucella spp.*, *B. anthracis*, *F. tularensis*, *B. pseudomallei* et *Y. pestis*. Dans tous les cas, le SGE a permis de différencier les isolats avec une résolution équivalente ou supérieure à celle de l'analyse MLVA. Les méthodes de SGE sont conformes aux normes de qualité ISO 17025, et le délai d'exécution actuel de 14 jours civils pour la différenciation moléculaire restera inchangé.

Si vous avez des questions ou des préoccupations à propos de ce changement, veuillez communiquer avec la chef de la section Élaboration d'épreuves et diagnostic – microbiologie médico-légale (kym.antonation@phac-aspc.gc.ca).

Cordialement,

Kym Antonation, MPH

Chef, Élaboration d'épreuves et diagnostic – microbiologie médico-légale
Laboratoire national de microbiologie, Agence de la santé publique du Canada / Gouvernement
du Canada
kym.antonation@phac-aspc.gc.ca / Téléphone : 204-789-7046 / Télécopieur : 204-789-5009